**BAKTERIÁLNÍ, PARAZITÁRNÍ A VIROVÉ INFEKCE V CHOVECH MALÝCH PŘEŽVÝKAVCŮ – PROJEKT ÚSPĚŠNĚ POKRAČUJE**

Jiřina Marková1, Soňa Šlosárková1, Jitka Kyselová2, Břetislav Koudela3

1 Výzkumný ústav veterinárního lékařství, v.v.i., Hudcova 70, 621 00 Brno

2 Výzkumný ústav živočišné výroby, v.v i., Přátelství 815/107, 104 00 Praha 22-Uhříněves

3 Veterinární a farmaceutická univerzita Brno, Palackého tř. 1946/1, 612 42 Brno

V lednu 2019 odstartoval pětiletý projekt financovaný Ministerstvem zemědělství (Projekt QK1910082) zabývající se řešením bakteriálních, parazitárních a virových infekcí se zoonotickým potenciálem v chovech malých přežvýkavců. Řešitelem projektu je Výzkumný ústav veterinárního lékařství, v.v.i. (VÚVeL), Výzkumný ústav živočišné výroby, v.v.i. (VÚŽV), Veterinární a farmaceutická univerzita Brno (VFU) a Svaz chovatelů ovcí a koz z.s. (SCHOK), který zajišťuje komunikaci mezi chovateli a řešiteli projektu a transfer výsledků k odborné i laické veřejnosti. Na základě výzvy se do projektu přihlásilo 45 chovatelů ovcí a koz z 11 krajů ČR, v jejichž chovech byli detekováni bakteriální původci paratuberkulózy a pseudotuberkulózy, jednobuněční parazité způsobující průjmová onemocnění u jehňat a kůzlat (kokcidie, kryptosporidie a giardie) a byla sledována přítomnost viru vyvolávajícího hepatitidu E. Registrovaníchovatelé tak díky řešení tohoto projektu získali přehled o aktuální nákazové situaci ve svých stádech a měli také možnost konzultovat zoohygienická opatření vedoucí k zabránění dalšího šíření, včetně ozdravení stád a opakovaného testování na přítomnost sledovaných původců infekčních onemocnění.

Z prvotního mapování výskytu vybraných patogenů v chovech ČR se nyní projekt přesouvá do roviny vývoje a optimalizace metod molekulární biologie vhodných k přesnější, citlivější a rychlejší diagnostice vybraných infekcí u ovcí a koz a k posouzení možnosti přenosu patogenů ze zvířat na člověka. Tyto metody mohou být následně využity v praxi jak k detekci různých původců onemocnění v biologických vzorcích (mléko, trus, tkáně, hnis z abscesů apod.), tak vzorcích prostředí nebo potravin. Ačkoliv vyvíjené metody přesné identifikace patogenů samy o sobě nemohou přinést léčebný efekt, umožní rychleji určit správnou diagnózu a včas přijatými opatřeními zamezit nekontrolovanému šíření nákazy uvnitř stáda a celkově v chovu. Především u parazitárních infekcí, kde často pozorujeme snížený účinek mnoha přípravků, se pro efektivní léčbu stává velice důležitým přesné určení původce onemocnění. Zároveň jsou na pracovišti Výzkumného ústavu živočišné výroby v Praze prováděny genetické analýzy umožňující definovat, jakým způsobem na sebe vzájemně působí genom zvířete s patogenem a poskytující komplexní vyhodnocení a porovnání fyziologického stavu nemocných, zdravých a potencionálně přirozeně odolnějších zvířat. Tyto informace mohou být cenné z hlediska šlechtění na odolnost zvířat vůči chorobám.

Nyní je projekt ve třetím roce svého řešení a dále bude probíhat až do konce roku 2023. Hlavním řešitelem se od konce roku 2020 stala MVDr. Jiřina Marková, Ph.D. a vystřídala tak Mgr. Radku Dziedzinskou, Ph.D. Do projektu se již není možné přihlásit, ale v případě zájmu o sérologické nebo molekulárně biologické vyšetření vašeho stáda nás můžete kontaktovat na níže uvedené adrese.

**MVDr. Jiřina Marková, Ph.D**.

Výzkumný ústav veterinárního lékařství, v.v.i.  
Oddělení Mikrobiologie a antimikrobiální rezistence  
Hudcova 70, 621 00 Brno

Email: markova@vri.cz

Tel: +420 778 734 987

**Hlavní řešitelé za jednotlivá pracoviště:**

MVDr. Jiřina Marková, Ph.D., VÚVeL, Brno

Prof. MVDr. Břetislav Koudela, CSc., VFU Brno

Dr. Ing. Jitka Kyselová, VÚŽV, Praha

Ing. Vít Mareš, SCHOK, Brno